

ブートストラップ信頼区間・ノンパラメトリック検定

樋口さぶろお <https://hig3.net>

龍谷大学大学院 理工学研究科 数理情報学専攻

理論物理学特論 L14 (2023-01-11 Wed)

最終更新: Time-stamp: "2023-01-14 Sat 08:48 JST hig"

今日の目標

- パラメトリックブートストラップ法を説明できる
- ブートストラップ信頼区間を求められる
- (ブートストラップでない) ノンパラメトリック統計を説明できる



L13-Q3

Quiz 解答: ブートストラップ標本抽出

- ① $\frac{1}{20}[8 + 8 + \cdots + 12] = 11$. バイアス $b = 11 - 10 = 1$.
- ② $10 - (11 - 10) = 2 \times 10 - 11 = 9$.
- ③ $\frac{1}{20-1}[(8 - 11)^2 + \cdots + (12 - 11)^2] = \frac{24}{19}$. 標準誤差の推定値は $(24/19)^{1/2}$.
- ④ 0.05, 0.95 quantile は 8, 12. よって,
 $10 - (12 - 10) < \theta < 10 + (8 - 10)$.

ここまで来たよ

13 ブートストラップ法

14 ブートストラップ信頼区間・ノンパラメトリック検定

- 復習: ブートストラップ法, 標準誤差, バイアス補正
- パラメトリックブートストラップ法
- パーセンタイルブートストラップ信頼区間
- 基本的ブートストラップ信頼区間
- ノンパラメトリック検定

ブートストラップ標本 I

ブートストラップ標本とは, 経験分布から抽出したサイズ $k = n$ の標本 (n は経験分布の元になった標本のサイズ).

別の言い方: 標本を母集団と思い直して復元抽出して孫標本.

ふつう, 多数個 (B 個) のブートストラップ標本を考える.

(母集団) : (標本) \approx (標本) : (ブートストラップ標本)

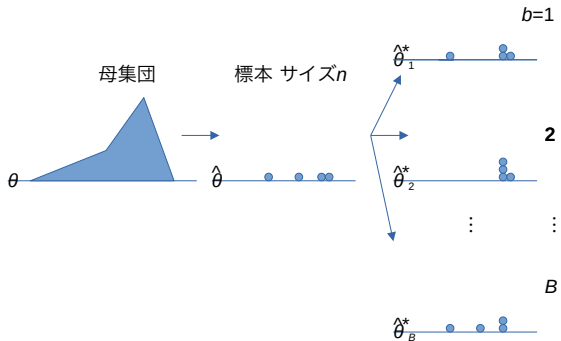
親 : 子 \approx 子 : 孫

親 $\xrightarrow{\text{標本抽出}}$ 子

真のパラメタ θ – 標本からの推定値 $\hat{\theta}$

\approx 標本からの推定値 $\hat{\theta}$ – ブートストラップ推定値 $\hat{\theta}^*$

ブートストラップ標本
サイズ n



ブートストラップ推定値

ブートストラップ標本を抽出する試行を考えたとき, その母期待値 $E[\hat{\theta}^*]$ をブートストラップ推定値という.

Monte Carlo 近似

ブートストラップ推定値は, Monte Carlo 近似できる. B 個のブートストラップ標本 b の統計量 $\hat{\theta}_b^*$ を求めて, 標本期待値をとる.

$$\hat{\theta}^* = \frac{1}{B} \sum_{b=1}^B \hat{\theta}_b^*$$

B : ブートストラップ反復回数

バイアス, バイアス補正值

バイアス $b = E[\text{標本推定値}\hat{\theta}] - \text{真の値}\theta$.

真の値 $\theta = E[\text{標本推定値}\hat{\theta}] - \text{バイアス}b$

$\approx \text{標本推定値}\hat{\theta} - (\text{ブートストラップ推定値}\hat{\theta}^* - \text{標本推定値}\hat{\theta})$

$= 2 \times \hat{\theta} - \hat{\theta}^*$

$= \text{バイアス補正 (された) 値}$

ブートストラップ推定値は, ブートストラップ反復回数 $B = 50-300$ の Monte Carlo 近似で求める.

ブートストラップの近似値が標本推定値より左に出たら, 補正值は標本推定値より右に置け. 標本推定値がもともと左にでちゃってただろうから, その分戻す, という考え方.

ここまで来たよ

13 ブートストラップ法

14 ブートストラップ信頼区間・ノンパラメトリック検定

- 復習: ブートストラップ法, 標準誤差, バイアス補正
- **パラメトリックブートストラップ法**
- パーセンタイルブートストラップ信頼区間
- 基本的ブートストラップ信頼区間
- ノンパラメトリック検定

パラメトリックブートストラップ法

- X の母分布の関数形 f が既知, パラメタ θ が未知とする: $f(x|\theta)$.
- r を, X の標本から計算される量とする
- r の分布を知りたい

アイデア: ブートストラップ法なら, ブートストラップ標本から r を計算することもできるが, 母分布を推定してそこから乱数で取り出した方が正確 or 速いかも.

例

- $\mathbf{X} = (X, Y) \sim N(\boldsymbol{\mu}, \Sigma)$. $\theta = (\boldsymbol{\mu}, \Sigma)$ 母平均値ベクトル, 母分散母共分散行列 は未知.
- r を, \mathbf{X} のサイズ n の標本から計算される標本相関係数とする
- 標本相関係数 r の分布を知りたい

パラメトリックブートストラップ法の手続き

- ① 標本から θ の推定値 $\hat{\theta}$ を得る (ブートストラップと無関係な方法で)
- ② $f(X|\hat{\theta})$ にしたがう擬似乱数を生成し, サイズ n の標本を B 個発生する
- ③ B 個の標本からそれぞれ r を計算し, r の経験分布を得て, 母分布の近似と思う.

ここまで来たよ

13 ブートストラップ法

14 ブートストラップ信頼区間・ノンパラメトリック検定

- 復習: ブートストラップ法, 標準誤差, バイアス補正
- パラメトリックブートストラップ法
- **パーセンタイルブートストラップ信頼区間**
- 基本的ブートストラップ信頼区間
- ノンパラメトリック検定

パーセンタイルブートストラップ信頼区間

パーセンタイルブートストラップ信頼区間を求める手続き

パラメタ θ の推定値 $\hat{\theta}$ の信頼係数 $1 - \alpha = 0.99$ の信頼区間を求める。

- ① 標本からブートストラップ標本 $b = 1, \dots, B$ を作り、ブートストラップ推定値 $\hat{\theta}_b^*$ を得る。
- ② $\hat{\theta}_b^*$ を大きさの順に並べかえたものを, $\hat{\theta}_{(1)}^* \leq \dots \leq \hat{\theta}_{(B)}^*$ のように添字に括弧をつけて書く。
- ③ 両側の極端な $B \cdot \frac{\alpha}{2}$ 個を取り除いた

$$\hat{\theta}_{(B \cdot \frac{\alpha}{2})}^* \leq \theta \leq \hat{\theta}_{(B \cdot (1 - \frac{\alpha}{2}))}^*$$

が**パーセンタイルブートストラップ信頼区間** (percentile bootstrap confidence interval) である。

パーセンタイルブートストラップ信頼区間の根拠

- 母分布=経験分布 と思うと, 得られる $\hat{\theta}$ のうち $1 - \alpha$ が収まる区間を与えている.
- バイアスの推定のために使った, 「子から親の性質を知るには, 子と孫の関係を逆に使う」ことをしていない.
 - ▶ その結果, 真の θ のまわりの $\hat{\theta}$ の分布が左右対称であるときのみ, 正確と期待できる.
 - ▶ パラメタを $\xi = h(\theta)$ のように変換するときの性質がよいので, 上の欠点にもかかわらず使われることがある.
- 歴史的には, 当初, 深く考えずに提案された (?)

ここまで来たよ

13 ブートストラップ法

14 ブートストラップ信頼区間・ノンパラメトリック検定

- 復習: ブートストラップ法, 標準誤差, バイアス補正
- パラメトリックブートストラップ法
- パーセンタイルブートストラップ信頼区間
- **基本的ブートストラップ信頼区間**
- ノンパラメトリック検定

ブートストラップ信頼区間 I

母分布で、区間内が $1 - \alpha$ になるように調節された、両端の位置を $t(\frac{\alpha}{2}), t(1 - \frac{\alpha}{2})$ とおく.

$$1 - \alpha = P(t(\frac{\alpha}{2}) \leq \hat{\theta} - \theta \leq t(1 - \frac{\alpha}{2})).$$

不等式を母分布の量 θ について解いて,

$$1 - \alpha = P(\hat{\theta} - t(1 - \frac{\alpha}{2}) \leq \theta \leq \hat{\theta} - t(\frac{\alpha}{2})).$$

を, $\hat{\theta}_b^* - \hat{\theta}$ の下側 $\frac{\alpha}{2}$ の位置の値で置き換える.

$$t(\frac{\alpha}{2}) = (\hat{\theta} - \theta) \text{ の下側 } \frac{\alpha}{2} = \hat{\theta} \text{ の下側 } \frac{\alpha}{2} - \theta \simeq \hat{\theta}_{(B, \frac{\alpha}{2})}^* - \hat{\theta}$$

定義 (基本的ブートストラップ信頼区間)

$$\hat{\theta} - (\hat{\theta}_{(B \cdot (1 - \frac{\alpha}{2}))}^* - \hat{\theta}) \leq \theta \leq \hat{\theta} - (\hat{\theta}_{(B \cdot \frac{\alpha}{2})}^* - \hat{\theta})$$

ブートストラップ標本で左にでがちだったら、もともとの標本推定値が左にでてるだろうから、そのずれくらい、右に信頼区間を広げておかなければいけない。

よりハイテクなブートストラップ信頼区間

ブートストラップ- t $\hat{\theta} - \theta$ のかわりに $(\hat{\theta} - \theta)/\hat{\sigma}$ の分布で考える. この分布が偶関数であるなら正確.

BC_α 上の量の分布が, 近似的に「正規分布から非対称にずれた分布」(歪度が0でない分布)にしたがうとして, 歪度を見積もる.

ここまで来たよ

13 ブートストラップ法

14 ブートストラップ信頼区間・ノンパラメトリック検定

- 復習: ブートストラップ法, 標準誤差, バイアス補正
- パラメトリックブートストラップ法
- パーセンタイルブートストラップ信頼区間
- 基本的ブートストラップ信頼区間
- ノンパラメトリック検定

ノンパラメトリック検定

t検定, カイ二乗検定, 二項検定などは, 母分布が正規分布, 正規分布, 二項分布にしたがうことを仮定して, 母分布のパラメタに関する帰無仮説を立てて始めた.

一方, 次のような状況を考えたいこともある.

1 標本問題・1群の検定, t検定相当

未知の分布にしたがう X の標本を得た. 帰無仮説「 X の中央値は m に等しい」を棄却できるか?

2 標本問題・2群の検定, 2群の t検定相当

それぞれ未知の分布にしたがう X と Y の標本を得た. 帰無仮説「 X の分布は Y の分布より中央値は Y の中央値と等しい」は棄却できるか?

定義 (ノンパラメトリック検定 (広義))

母分布の関数形を具体的には仮定しない検定手法群

定義 (ノンパラメトリック検定 (狭義))

母分布の関数形を具体的には仮定しない検定手法群のうち、標本に含まれるデータの大小の順位から作った検定統計量を使う検定。

- 1 標本問題: ウィルコクソンの符号付き順位和検定 (signed rank sum test)=ウィルコクソン検定 (より単純化したものとして**符号検定**)
- 2 標本問題: ウィルコクソンの順位和検定 (rank sum test)=マン-ホイットニーのU検定
- 対応ありの2標本問題: 1標本問題に帰着

条件が多いと、適用範囲は狭くなるが**検出力** (power) は大きくなる。つまり、正規分布にしたがう場合、2群のt検定では棄却できるけど、ウィルコクソンの符号和検定では棄却できない、となったりする。

ウィルコクソンの順位和検定

ウィルコクソンの順位和検定

- データ: 確率密度関数 $f(x), f(x - \theta)$ にしたがう 2 つの標本 $\{X_1, \dots, X_m\} \sim f(x), \{Y_1, \dots, Y_n\} \sim f(x - \theta)$.
 - 帰無仮説 X, Y は同じ確率分布にしたがう. すなわち $\theta = 0$
 - 対立仮説 $\theta \neq 0$
 - 検定統計量 $U_2 = mn + \frac{1}{2}n(n+1) - R, R = \sum_{i=1}^n R_i$.
 - ▶ $\{X_1, \dots, X_m\}, \{Y_1, \dots, Y_n\}$ を混ぜて小さい方から並べたときの, Y_i の順位を R_i とする. $1 \leq R_i \leq m+n$.
 - ▶ U_2 は, Y_i が X_j より小さいようなペア (i, j) の個数.
 - 棄却域は, 手でも計算できるが, 専用の表が本や Web に載ってる
-
- 帰無仮説のもとで, $U_2 = mn + \frac{1}{2}n(n+1) - n\frac{1}{2}(m+n+1) = \frac{1}{2}mn$ くらいになりそう. $\theta < 0$ のとき, U_2 はこれより小さい.
 - n, m 大のとき, 実は, $U_2 \sim N(\frac{1}{2}mn, \frac{1}{12}mn(m+n+1))$ となる. 正規分布表で棄却域を作れる.
 - 標本の中に同点 (タイ (tie)) がある場合も小修正で.
 - $U_1 = mn + \frac{1}{2}m(m+1) - R', R' = \sum_{j=1}^m R'_j$.

L14-Q1

Quiz(ウィルコクソンの順位和検定)

Y の標本は $\{1.1, 3.3\}$, X の標本は $\{2.3, 4.2, 5.5, 6.3\}$ で与えられる.

- ① $Y_i < X_j$ となるペア (i, j) の個数を求めよう.
- ② U_2 を求めよう.
- ③ $Y_i > X_j$ となるペア (i, j) の個数を求めよう.
- ④ U_1 を求めよう.
- ⑤ X, Y は同じ分布にしたがう, という帰無仮説のもとで, $U_2 \geq 7$ となる確率を求めよう.
- ⑥ 帰無仮説は有意水準 $\alpha = 0.05$ で棄却されるか.

L14-Q2

Quiz(ウィルコクソンの順位和検定)

Y の標本は $\{1.1, 2.3\}$, X の標本は $\{3.3, 4.2, 5.5\}$ で与えられる.

- ① $Y_i < X_j$ となるペア (i, j) の個数を求めよう.
- ② U_2 を求めよう.
- ③ $Y_i > X_j$ となるペア (i, j) の個数を求めよう.
- ④ U_1 を求めよう.
- ⑤ X, Y は同じ分布にしたがう, という帰無仮説は有意水準 $\alpha = 0.05$ で棄却されるか.